

Уважаемые коллеги!

В настоящем номере журнала вашему вниманию предложены статьи, посвященные проблемам генетики сердечно-сосудистых заболеваний (ССЗ), многофакторным по своей природе. Другая особенность номера — в нем добрая половина статей сибирских кардиологов и генетиков.

Обзорная лекция по генетике гипертонической болезни (ГБ) напоминает нам о том, что многие болезни человека в своем становлении имеют эволюционную историю, эволюцию генома, реагирующего на постоянно меняющиеся условия обитания. Эволюционная медицина активно развиваемое направление в патогенетике ССЗ.

Современные мировые системы здравоохранения сейчас “болеют” персонифицированной медициной и в нашем номере журнала у вас есть возможность оценить работы по прогнозу эффективности антиагрегантов (клопидогрел, ацетилсалициловая кислота) у пациентов с различными формами проявлений атеросклероза, носителями некоторых вариантов генов *NOS3* и *CYP2C19*.

До сих пор оценки информативности генетических маркеров, ассоциированных с ССЗ для Российских популяций, нуждаются в уточнении. В связи с этим, представляют интерес исследования, выполненные на основе проекта HAPIEE в отношении инфаркта миокарда (новосибирская выборка), сопоставления

в популяциях Крайнего Севера (Сургут) и трех крупных сибирских городов, а также жителей Якутии. Генетическая эпидемиология по-прежнему является основой в решении подобного рода задач.

Все больше накапливаются данные о том, что наряду с унаследованными дефектами генома, важное значение имеют ненаследуемые мутации, возникающие в онтогенезе (постзиготическая изменчивость генома). Это — область эпигенетической наследственности.

В одной из статей представлены результаты изучения у каждого из пациентов с коронарным атеросклерозом одновременно около 15 тыс. генов. Выявлены дифференциально метилированные 46 CpG сайтов 42 генов, из которых 8 генов связаны с развитием болезни. Обсуждаются и другие формы неменделевского наследования, в частности “парадоминантное наследование”, а также представлен сравнительный анализ спектра вариантов числа копий участков ДНК (CNU) в лейкоцитах и клетках артерий при их атеросклеротическом поражении.



Академик РАН,
Заслуженный деятель науки РФ,
Пузырев Валерий Павлович

Уважаемые коллеги!

Развитие кардиологии в XXI веке, по-видимому, невозможно без использования индивидуальных данных о генетике пациента. Секвенирование первого генома человека и последовавшее за ним стремительное развитие технологий, вызвавших существенное снижение стоимости генетического анализа и ускорение сроков его проведения, сделали возможным широкое внедрение методов генетической диагностики в научных исследованиях и в практической медицине. Примером этого могут служить работы, представленные в 10 номере журнала. В нём Вы можете найти обзорные и оригинальные статьи, посвящённые генетике комплексных заболеваний: атеросклерозу и гипертонической болезни. А кроме того, отдельное место в номере занимают три

Руководитель лаборатории молекулярной генетики
ФГБУ НМИЦ ПМ Минздрава России
К.м.н. Мешков Алексей Николаевич

клинических случая редких моногенных наследственных заболеваний, связанных с развитием различных форм кардиомиопатий: миофибрилярной миопатии, болезни Данона и атаксии Фридрейха, где использование методов генетической диагностики помогает в дифференциальной диагностике и более точной оценке прогноза заболевания. Надеюсь, что статьи данного номера будут не только интересны, но и полезны в практической и научной деятельности.



С 2016г статьи в журнал принимаются через редакционную платформу: www.russjcardiol.elpub.ru

НОВЫЕ ПРАВИЛА ПУБЛИКАЦИИ АВТОРСКИХ МАТЕРИАЛОВ (2017):
<http://russjcardiol.elpub.ru/jour/about/submissions#authorGuidelines>